Nadsyłanie odpowiedzi do **20 czerwca**

1. **Dlaczego program podaje kilka adnotacji, dla jednego wariantu dla tego samego genu?**
2. **Jakie błędy można popełnić na etapie przygotowywania matrycy do sekwencjonowania NGS, a jakie na etapie amplifikacji klonalnej, które spowodują otrzymanie fałszywego wyniku lub jego braku?**